

1/2

FILED 20540000

SEQ ID NO:02
SEQ ID NO:06
SEQ ID NO:08
SEQ ID NO:12
SEQ ID NO:13

TRQSP-----RLPFPTSPSL--SLCLSSRNVRVHLAAASKRDQMAPLGDG-GAAAAAASN
-ARASPPHPKK--FPTIPSLSLNLDLSLSPVFAASR-----VVVVGGMAGRS
HERTSLSCRSKTVFQNPNTLSLP-----MALNNGVPATGT
-----MAPLGDVAVAPAAAAAP
-----MAVNG---ASSS
1 60

SEQ ID NO:02
SEQ ID NO:06
SEQ ID NO:08
SEQ ID NO:12
SEQ ID NO:13

NLVVSFGEMLIDFVPDVAGLSLAESGGFVKAPGGAPANVACIAKLGSSAFVKGFGDDE
ELVVSFGEMLIDFVPTVAGVSLAEAPAFVKAPGGAPANVAIAVARLGGGAFAVKGKLGDDDE
GLIVSFGEMLIDFVPTVSGVSLAEAPGFLKAPGGAPANVAIAVSRLLGKKAFAVKGKLGDDDE
GLVVSFGEMLIDFVPDVAGVSLAEESGGFVKAPGGAPANVACIAISKLGSSAFVKGFGDDE
GLIVSFGEMLIDFVPTVSGVSLAEAPGFLKAPGGAPANVAIAVTRIGGKSAFVKGKLGDDDE
61 120

SEQ ID NO:02
SEQ ID NO:06
SEQ ID NO:08
SEQ ID NO:12
SEQ ID NO:13

FGHMLVNIKQNNVNSEGCLFDKHARTALAFVTLKHDGEREFMFYRNPSADMLLITAEALD
FGRMLAAILRDNGVDDGGVFDAGARTALAFVTLRADGEREFMFYRNPSADMLLITHAELN
FGHMLAGILKENGVRADGINFDQGARTALAFVTLRADGEREFMFYRNPSADMLLITKPEELN
FGHMLVEILKQNGVNAEGCLFDQHARTALAFVTLKSNGEREFMFYRNPSADMLLITAEALN
FGHMLAGILKTNQVQAEGINFDKGARTALAFVTLRADGEREFMFYRNPSADMLLITPAELN
121 180

SEQ ID NO:02
SEQ ID NO:06
SEQ ID NO:08
SEQ ID NO:12
SEQ ID NO:13

LGLVRRAKVFHYGSIISLISEPCRSAHMAAMRAAKAAGVLCSDPNVRLPLWPSPDAAAREG
VELIKRAAVFHYGSIISLIAEPCRSAHLRAMEIAKEAGALLSYDPNLREALWPSREEARTK
LELIRSAKVHYGSIISLIVEPCRSAHLKAMEVAKESGCLLSYDPNLRPLWPSAEAEARKQ
LDLIRRARIFHYGSIISLITEPCRSAHVAATRAAKSAGILCSYDPNVRLPLWPSAQAAARDG
LDLIRSAKVHYGSIISLIVEPCRAAHMKAMEVAKEAGALLSYDPNLRPLWPSAEAEAKKQ
181 240

FIG. 1A

*** ** *

AI PALPTVATAQDLIAKA-N
AIPSLPTEVEVLKIM-ES-A
AIPALPKEEAALKLI-KGGS
AIPALPTTATALELISKGSN
AIPALPTASEALTLL-KGGA

361 380

SEQ	ID NO:02
SEQ	ID NO:06
SEQ	ID NO:08
SEQ	ID NO:12
SEQ	ID NO:13

SEQ	ID	NO:02
SEQ	ID	NO:06
SEQ	ID	NO:08
SEQ	ID	NO:12
SEQ	ID	NO:13

FIG. 1B